	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
AatII	4	403	3813	725-402
GACGT|C		456	186	539-724
		539	83	456-538
		725	53	403-455
AccI	1	61	4135	61-60
GT|MKAC				
AciI	38	89	838	2807-3644
C|CGC		336	410	3645-4054
G|CGG		364	264	2117-2380
		376	254	2553-2806
		390	247	89-335
		557	226	1007-1232
		648	167	390-556
		681	148	806-953
		785	135	1973-2107
		806	127	1596-1722
		954	122	4102-88
		958	121	1742-1862
		1007	117	2436-2552
		1233	110	1863-1972
		1257	104	681-784
		1305	91	1477-1567
		1372	91	557-647
		1382	67	1305-1371
		1406	49	958-1006
		1449	48	1257-1304
		1456	47	2381-2427
		1477	47	4055-4101
		1568	43	1406-1448
		1596	33	648-680
		1723	28	336-363
		1742	28	1568-1595
		1863	24	1382-1405
		1973	24	1233-1256
		2108	21	1456-1476
		2117	21	785-805
		2381	19	1723-1741
		2428	14	376-389
		2436	12	364-375
		2553	10	1372-1381
		2807	9	2108-2116
		3645	8	2428-2435
		4055	7	1449-1455
		4102	4	954-957
Afl II	1	995	4135	995-994
C|TTAAG				
Afl III	2	256	2868	1523-255
A|CRYGT		1523	1267	256-1522

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
AluI	15	30	782	3132-3913
AG|CT		163	681	163-843
		844	471	994-1464
		919	450	2682-3131
		982	369	2084-2452
		994	257	1827-2083
		1465	251	3914-29
		1691	226	1465-1690
		1827	136	1691-1826
		2084	133	30-162
		2453	122	2560-2681
		2560	107	2453-2559
		2682	75	844-918
		3132	63	919-981
		3914	12	982-993
Alw26 I	5	712	2328	904-3231
GTCTCN|		904	796	4051-711
|NNNNNGAGAC		3232	539	3232-3770
		3771	280	3771-4050
		4051	192	712-903
AlwI	15	43	1115	969-2083
GGATCNNNN|		48	921	48-968
|NNNNNGATCC		969	445	3389-3833
		2084	395	2994-3388
		2170	344	3834-42
		2172	336	2425-2760
		2268	233	2761-2993
		2269	96	2172-2267
		2277	86	2084-2169
		2352	75	2277-2351
		2425	73	2352-2424
		2761	8	2269-2276
		2994	5	43-47
		3389	2	2170-2171
		3834	1	2268-2268
AlwNI	2	108	2304	1939-107
CAGNNN|CTG		1939	1831	108-1938
ApaI	1	941	4135	941-940
GGGCC|C				
ApaLI	1	1837	4135	1837-1836
G|TGCAC				
ApoI	4	155	2165	1286-3450
R|AATTY		1286	1131	155-1285
		3451	655	3635-154
		3635	184	3451-3634
AseI	4	285	1698	1353-3050

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
AT|TAAT		890	1369	3051-284
		1353	605	285-889
		3051	463	890-1352
Asp718 I	1	986	4135	986-985
G|GTACC				
AvaI	3	949	2427	949-3375
C|YCGRG		3376	1434	3650-948
		3650	274	3376-3649
AvaII	3	12	2684	12-2695
G|GWCC		2696	1201	2696-3896
		3897	250	3897-11
BanI	3	743	3789	1089-742
G|GYRCC		986	243	743-985
		1089	103	986-1088
BanII	5	846	2359	1242-3600
GRGCY|C		941	1380	3601-845
		984	258	984-1241
		1242	95	846-940
		3601	43	941-983
BbsI	1	1213	4135	1213-1212
GAAGACNN|				
|NNNNNNGTCTTC				
BbvI	7	215	2199	2151-214
GCAGCNNNNNNNN|		1415	1200	215-1414
|NNNNNNNNNNNNGCT		1433	419	1433-1851
		1852	206	1945-2150
		1942	90	1852-1941
		1945	18	1415-1432
		2151	3	1942-1944
Bcl I	1	1011	4135	1011-1010
T|GATCA				
BfaI	8	278	1744	2271-4014
C|TAG		857	985	1033-2017
		924	579	278-856
		944	398	4015-277
		1033	253	2018-2270
		2018	89	944-1032
		2271	67	857-923
		4015	20	924-943
Bgl I	3	368	3942	561-367
GCCNNNN|NGGC		490	122	368-489
		561	71	490-560

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
Bgl II	3	34	2889	1280-33
A|GATCT		1272	1238	34-1271
		1280	8	1272-1279
BsaAI	1	618	4135	618-617
YAC|GTR				
BsaBI	1	39	4135	39-38
GATNN|NNATC				
BsaHI	4	400	3813	722-399
GR|CGYC		453	186	536-721
		536	83	453-535
		722	53	400-452
BsaI	1	904	4135	904-903
GGTCTCN|				
|NNNNNGAGACC				
BsaJI	10	638	984	1683-2666
C|CNNGG		1081	848	3925-637
		1683	602	1081-1682
		2667	487	3377-3863
		2728	443	638-1080
		2975	401	2975-3375
		3376	247	2728-2974
		3377	61	3864-3924
		3864	61	2667-2727
		3925	1	3376-3376
BsaWI	3	1729	2751	3113-1728
W|CCGGW		1876	1237	1876-3112
		3113	147	1729-1875
Bsc4 I	11	326	1044	326-1369
CCNNNN|NNNGG		1370	726	2007-2732
		1544	597	3864-325
		1562	524	3340-3863
		1728	332	3008-3339
		2007	279	1728-2006
		2733	258	2733-2990
		2991	174	1370-1543
		3008	166	1562-1727
		3340	18	1544-1561
		3864	17	2991-3007
BsiEI	5	958	1839	3254-957
CGRY|CG		1439	805	2449-3253
		1863	586	1863-2448
		2449	481	958-1438
		3254	424	1439-1862
BsiHKAI	3	846	3140	1841-845

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
GWGCW|C		984	857	984-1840
		1841	138	846-983
BslI	11	327	1044	327-1370
CCNNNNN|NNGG		1371	726	2008-2733
		1545	597	3865-326
		1563	524	3341-3864
		1729	332	3009-3340
		2008	279	1729-2007
		2734	258	2734-2991
		2992	174	1371-1544
		3009	166	1563-1728
		3341	18	1545-1562
		3865	17	2992-3008
BsmBI	1	3232	4135	3232-3231
CGTCTCN|				
|NNNNNGAGACG				
BsmFI	4	453	2025	772-2796
GGGACNNNNNNNNNN|...		604	1791	2797-452
|NNNNNNNNNNNNNNG...		772	168	604-771
		2797	151	453-603
BsmI	2	3293	4058	3370-3292
GAATGCN|		3370	77	3293-3369
G|CATTC				
Bsp120 I	1	937	4135	937-936
G|GGCCC				
Bsp1286 I	6	846	1760	1841-3600
GDGCH|C		941	1380	3601-845
		984	599	1242-1840
		1242	258	984-1241
		1841	95	846-940
		3601	43	941-983
BspHI	3	2243	2329	4049-2242
T|CATGA		3730	1487	2243-3729
		4049	319	3730-4048
BspLU11 I	1	1523	4135	1523-1522
A|CATGT				
BsrBI	3	954	2599	1456-4054
GAG|CGG		1456	1034	4055-953
CCG|CTC		4055	502	954-1455
BsrDI	1	3762	4135	3762-3761
GCAATGNN|				
|CATTGC				

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
BsrFI	1	3294	4135	3294-3293
R|CCGGY				
BsrI	10	102	1051	880-1930
ACTGGN|		573	643	2056-2698
C|CAGT		880	624	2839-3462
		1931	471	102-572
		1944	436	3463-3898
		2056	338	3899-101
		2699	307	573-879
		2839	140	2699-2838
		3463	112	1944-2055
		3899	13	1931-1943
BssKI	13	366	722	1901-2622
|CCNGG		559	592	3376-3967
		1081	533	3968-365
		1549	522	559-1080
		1670	468	1081-1548
		1683	379	2623-3001
		1901	357	3002-3358
		2623	218	1683-1900
		3002	193	366-558
		3359	121	1549-1669
		3375	16	3359-3374
		3376	13	1670-1682
		3968	1	3375-3375
BssSI	3	1696	1835	3996-1695
C|ACGAG		2596	1400	2596-3995
C|TCGTG		3996	900	1696-2595
BstEII	1	2322	4135	2322-2321
G|GTNACC				
BstF5 I	9	977	1157	3955-976
GGATGNN|		1235	1089	1235-2323
|CATCC		2324	626	2997-3622
		2489	354	2643-2996
		2538	332	3623-3954
		2643	258	977-1234
		2997	165	2324-2488
		3623	105	2538-2642
		3955	49	2489-2537
BstNI	10	368	940	1685-2624
CC|WGG		561	609	3361-3969
		1083	533	3970-367
		1551	522	561-1082
		1672	468	1083-1550
		1685	379	2625-3003
		2625	357	3004-3360
		3004	193	368-560

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
		3361	121	1551-1671
		3970	13	1672-1684
BstUI	13	148	1032	338-1369
CG|CG		236	814	2436-3249
		258	581	1570-2150
		338	459	3645-4103
		1370	345	3250-3594
		1372	285	2151-2435
		1570	198	1372-1569
		2151	179	4104-147
		2436	88	148-235
		3250	80	258-337
		3595	50	3595-3644
		3645	22	236-257
		4104	2	1370-1371
BstXI	1	968	4135	968-967
CCANNNNN|NTGG				
BstYI	9	34	1232	40-1271
R|GATCY		40	1170	2999-33
		1272	884	1280-2163
		1280	726	2273-2998
		2164	86	2175-2260
		2175	12	2261-2272
		2261	11	2164-2174
		2273	8	1272-1279
		2999	6	34-39
Bsu36 I	1	16	4135	16-15
CC|TNAGG				
Cac8 I	15	150	1030	2137-3166
GCN|NGC		364	688	3597-149
		557	560	1577-2136
		921	364	557-920
		925	284	3313-3596
		1041	232	1222-1453
		1218	214	150-363
		1222	193	364-556
		1454	177	1041-1217
		1540	146	3167-3312
		1577	116	925-1040
		2137	86	1454-1539
		3167	37	1540-1576
		3313	4	1218-1221
		3597	4	921-924
ClaI	1	3559	4135	3559-3558
AT|CGAT				
Csp6 I	11	71	1366	987-2352
G|TAC		241	1063	2353-3415
		496	790	3416-70
		521	255	241-495
		576	170	817-986
		609	170	71-240
		660	157	660-816
		817	55	521-575
		987	51	609-659
		2353	33	576-608
		3416	25	496-520
CviJ I	63	30	293	3169-3461
RG|CY		101	289	555-843
		163	215	2084-2298
		179	197	3968-29
		247	197	1043-1239
		320	186	2946-3131
		362	184	371-554
		371	140	2806-2945
		555	136	1691-1826
		844	128	2311-2438
		852	124	2682-2805
		879	124	3790-3913
		919	116	1248-1363
		923	111	3679-3789
		939	98	1593-1690
		957	84	3462-3545
		982	82	1364-1445
		994	79	1857-1935
		1017	73	247-319
		1043	73	1465-1537
		1240	71	30-100
		1248	68	179-246
		1364	68	2560-2627
		1446	65	1936-2000
		1465	62	101-162
		1538	54	2453-2506
		1549	53	3546-3598
		1567	53	2507-2559
		1593	49	3599-3647
		1691	43	2012-2054
		1827	42	320-361
		1832	40	879-918
		1857	33	3132-3164
		1936	31	3648-3678
		2001	29	2055-2083
		2012	27	852-878
		2055	26	1017-1042
		2084	26	1567-1592
		2299	25	1832-1856
		2311	25	957-981
		2439	23	994-1016
		2453	22	2628-2649

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
		2507	22	3946-3967
		2560	19	1446-1464
		2628	18	939-956
		2650	18	1549-1566
		2666	16	3914-3929
		2682	16	3930-3945
		2806	16	163-178
		2946	16	923-938
		3132	16	2666-2681
		3165	16	2650-2665
		3169	14	2439-2452
		3462	12	982-993
		3546	12	2299-2310
		3599	11	1538-1548
		3648	11	2001-2011
		3679	9	362-370
		3790	8	1240-1247
		3914	8	844-851
		3930	5	1827-1831
		3946	4	3165-3168
		3968	4	919-922
DdeI	16	16	935	208-1142
C|TNAG		31	584	3232-3815
		67	546	1252-1797
		137	455	2777-3231
		208	409	1798-2206
		1143	192	3816-4007
		1252	192	2585-2776
		1798	184	2207-2390
		2207	143	4008-15
		2391	109	1143-1251
		2494	103	2391-2493
		2585	91	2494-2584
		2777	71	137-207
		3232	70	67-136
		3816	36	31-66
		4008	15	16-30
DpnI	24	36	926	50-975
GA|TC		42	809	1282-2090
		50	445	3383-3827
		976	338	3833-35
		1013	261	1013-1273
		1274	252	3001-3252
		1282	246	2517-2762
		2091	233	2768-3000
		2166	130	3253-3382
		2177	98	2419-2516
		2185	78	2185-2262
		2263	75	2284-2358
		2275	75	2091-2165
		2284	60	2359-2418
		2359	37	976-1012
		2419	12	2263-2274
		2517	11	2166-2176
		2763	9	2275-2283
		2768	8	1274-1281
		3001	8	2177-2184
		3253	8	42-49
		3383	6	36-41
		3828	5	2763-2767
		3833	5	3828-3832
DraI	2	932	4064	1003-931
TTT|AAA		1003	71	932-1002
DraIII	1	3786	4135	3786-3785
CACNNN|GTG				
DrdI	1	1631	4135	1631-1630
GACNNNN|NNGTC				
DsaI	5	638	2029	638-2666
C|CRYGG		2667	1136	2728-3863
		2728	848	3925-637
		3864	61	2667-2727
		3925	61	3864-3924
EaeI	3	955	2653	2437-954
Y|GGCCR		1362	1075	1362-2436
		2437	407	955-1361
EagI	1	955	4135	955-954
C|GGCCG				
EarI	2	1407	2106	3436-1406
CTCTTCN|		3436	2029	1407-3435
|NNNNGAAGAG				
Ecl136 II	2	844	3997	982-843
GAG|CTC		982	138	844-981
Eco47 III	2	2583	2705	4013-2582
AGC|GCT		4013	1430	2583-4012
Eco57 I	1	2071	4135	2071-2070
CTGAAGNNNNNNNNNN...				
|NNNNNNNNNNNNNNC...				
EcoNI	1	3339	4135	3339-3338
CCTNN|NNNAGG				
EcoO109 I	1	938	4135	938-937
RG|GNCCY				

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
EcoRI	1	1286	4135	1286-1285
G|AATTC				
EcoRII	10	366	940	1683-2622
|CCWGG		559	609	3359-3967
		1081	533	3968-365
		1549	522	559-1080
		1670	468	1081-1548
		1683	379	2623-3001
		2623	357	3002-3358
		3002	193	366-558
		3359	121	1549-1669
		3968	13	1670-1682
FauI	4	371	3141	1365-370
CCCGCNNNN|		397	801	564-1364
|NNNNNNGCGGG		564	167	397-563
		1365	26	371-396
Fnu4HI	16	89	839	2807-3645
GC|NGC		229	726	229-954
		955	578	3646-88
		958	471	958-1428
		1429	370	2437-2806
		1447	297	2140-2436
		1450	206	1934-2139
		1568	155	1568-1722
		1723	143	1723-1865
		1866	140	89-228
		1931	118	1450-1567
		1934	65	1866-1930
		2140	18	1429-1446
		2437	3	955-957
		2807	3	1931-1933
		3646	3	1447-1449
FokI	9	984	1157	3962-983
GGATGNNNNNNNNN|		...1242	1089	1242-2330
|NNNNNNNNNNNNNCA		2331	606	3004-3609
		2476	374	2630-3003
		2545	352	3610-3961
		2630	258	984-1241
		3004	145	2331-2475
		3610	85	2545-2629
		3962	69	2476-2544
HaeII	4	1401	1521	4015-1400
RGCGC|Y		1771	1430	2585-4014
		2585	814	1771-2584
		4015	370	1401-1770
HaeIII	15	247	537	2628-3164
GG|CC		362	483	3165-3647
		555	438	2001-2438
		939	434	1567-2000
		957	414	3968-246
		1364	407	957-1363
		1538	384	555-938
		1549	320	3648-3967
		1567	193	362-554
		2001	189	2439-2627
		2439	174	1364-1537
		2628	115	247-361
		3165	18	939-956
		3648	18	1549-1566
		3968	11	1538-1548
HgaI	3	804	2727	2212-803
GACGCNNNNN|		1634	830	804-1633
|NNNNNNNNNNGCGTC		2212	578	1634-2211
HhaI	17	148	1144	228-1371
GCG|C		228	646	2584-3229
		1372	475	3539-4013
		1400	431	2153-2583
		1433	270	1433-1702
		1703	222	3317-3538
		1770	177	4106-147
		1870	174	1870-2043
		2044	109	2044-2152
		2153	100	1770-1869
		2584	92	4014-4105
		3230	80	148-227
		3300	70	3230-3299
		3317	67	1703-1769
		3539	33	1400-1432
		4014	28	1372-1399
		4106	17	3300-3316
HinP1 I	17	146	1144	226-1369
G|CGC		226	646	2582-3227
		1370	475	3537-4011
		1398	431	2151-2581
		1431	270	1431-1700
		1701	222	3315-3536
		1768	177	4104-145
		1868	174	1868-2041
		2042	109	2042-2150
		2151	100	1768-1867
		2582	92	4012-4103
		3228	80	146-225
		3298	70	3228-3297
		3315	67	1701-1767
		3537	33	1398-1430
		4012	28	1370-1397
		4104	17	3298-3314

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
HincII	3	62	3875	262-1
GTY|RAC		262	200	62-261
		2	60	2-61
HindIII	2	992	2138	992-3129
A|AGCTT		3130	1997	3130-991
HinfI	18	63	722	1894-2615
G|ANTC		201	623	3338-3960
		688	487	201-687
		897	411	947-1357
		947	396	1498-1893
		1358	387	2632-3018
		1423	221	3977-62
		1498	209	688-896
		1894	172	3110-3281
		2616	138	63-200
		2632	85	3025-3109
		3019	75	1423-1497
		3025	65	1358-1422
		3110	56	3282-3337
		3282	50	897-946
		3338	16	3961-3976
		3961	16	2616-2631
		3977	6	3019-3024
HpaI	1	2	4135	2-1
GTT|AAC				
HpaII	9	1730	2488	3377-1729
C|CGG		1877	584	2530-3113
		1903	241	2289-2529
		2093	196	2093-2288
		2289	190	1903-2092
		2530	181	3114-3294
		3114	147	1730-1876
		3295	82	3295-3376
		3377	26	1877-1902
HphI	13	654	1605	654-2258
GGTGANNNNNNNN|		2259	909	3880-653
|NNNNNNNTCACC		2334	477	3403-3879
		2336	252	2465-2716
		2451	247	2717-2963
		2465	196	3128-3323
		2717	120	2964-3083
		2964	115	2336-2450
		3084	79	3324-3402
		3128	75	2259-2333
		3324	44	3084-3127
		3403	14	2451-2464
		3880	2	2334-2335

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
KpnI	1	990	4135	990-989
GGTAC|C				
MaeII	10	400	1504	722-2225
A|CGT		412	1434	2226-3659
		453	402	4133-399
		536	348	3785-4132
		617	125	3660-3784
		722	105	617-721
		2226	83	453-535
		3660	81	536-616
		3785	41	412-452
		4133	12	400-411
MaeIII	12	339	1104	775-1878
|GTNAC		426	715	3759-338
		775	521	2322-2842
		1879	349	426-774
		1942	295	3100-3394
		2058	272	3487-3758
		2322	264	2058-2321
		2843	257	2843-3099
		3100	116	1942-2057
		3395	92	3395-3486
		3487	87	339-425
		3759	63	1879-1941
MboII	12	210	1008	210-1217
GAAGANNNNNNNN|		1218	791	1394-2184
|NNNNNNNTCTTC		1394	578	2764-3341
		2185	380	3453-3832
		2256	361	3984-209
		2448	192	2256-2447
		2613	176	1218-1393
		2764	165	2448-2612
		3342	151	3833-3983
		3453	151	2613-2763
		3833	111	3342-3452
		3984	71	2185-2255
MfeI	1	189	4135	189-188
C|AATTG				
MluI	1	256	4135	256-255
A|CGCGT				
MnlI	27	123	696	123-818
CCTCNNNNNNN|		819	367	3070-3436
|NNNNNNGAGG		951	341	1955-2295
		1028	317	2653-2969
		1070	285	3659-3943
		1115	250	1705-1954

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
		1190	241	4017-122
		1247	222	3437-3658
		1307	209	1422-1630
		1372	194	2296-2489
		1422	132	819-950
		1631	100	2970-3069
		1705	77	2503-2579
		1955	77	951-1027
		2296	75	1115-1189
		2490	74	1631-1704
		2503	65	1307-1371
		2580	60	1247-1306
		2605	57	1190-1246
		2653	50	1372-1421
		2970	48	3944-3991
		3070	48	2605-2652
		3437	45	1070-1114
		3659	42	1028-1069
		3944	25	3992-4016
		3992	25	2580-2604
		4017	13	2490-2502
MseI	14	97	876	1353-2228
T|TAA		159	626	2229-2854
		285	605	285-889
		890	497	3639-4135
		931	379	3260-3638
		996	351	1002-1352
		1002	209	3051-3259
		1353	196	2855-3050
		2229	126	159-284
		2855	96	4136-96
		3051	65	931-995
		3260	62	97-158
		3639	41	890-930
		4136	6	996-1001
Msl I	2	643	2314	2464-642
CAYNN|NNRTG		2464	1821	643-2463
MspA1 I	3	1009	3034	2110-1008
CMG|CKG		1865	856	1009-1864
		2110	245	1865-2109
MwoI	19	225	663	2634-3296
GCNNNNN|NNGC		368	572	1576-2147
		490	552	678-1229
		522	422	3543-3964
		561	395	3965-224
		654	356	2148-2503
		678	214	3297-3510
		1230	143	225-367
		1254	141	1254-1394
		1395	130	2504-2633
		1462	122	368-489
		1576	114	1462-1575
		2148	93	561-653
		2504	67	1395-1461
		2634	39	522-560
		3297	32	3511-3542
		3511	32	490-521
		3543	24	1230-1253
		3965	24	654-677
NciI	3	1903	2660	3378-1902
CC|SGG		3377	1474	1903-3376
		3378	1	3377-3377
NcoI	1	638	4135	638-637
C|CATGG				
NdeI	1	512	4135	512-511
CA|TATG				
NheI	1	923	4135	923-922
G|CTAGC				
NlaIII	13	198	720	1527-2246
CATG|		582	675	2424-3098
		642	582	642-1223
		1224	384	198-581
		1527	319	3734-4052
		2247	305	3099-3403
		2424	303	1224-1526
		3099	280	4053-197
		3404	177	2247-2423
		3519	115	3404-3518
		3631	112	3519-3630
		3734	103	3631-3733
		4053	60	582-641
NlaIV	9	745	1266	2665-3930
GGN|NCC		939	1071	1594-2664
		988	780	4100-744
		1091	464	1091-1554
		1555	194	745-938
		1594	169	3931-4099
		2665	103	988-1090
		3931	49	939-987
		4100	39	1555-1593
NotI	1	955	4135	955-954
GC|GGCCGC				
NruI	2	236	3359	236-3594
TCG|CGA		3595	776	3595-235

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
NsiI	2	3140	3869	3406-3139
ATGCA|T		3406	266	3140-3405
NspI	2	1224	3832	1527-1223
RCATG|Y		1527	303	1224-1526
PflMI	1	2992	4135	2992-2991
CCANNNN|NTGG				
PleI	9	57	966	3019-3984
GAGTCNNNN|		682	708	1902-2609
|NNNNNGACTC		891	625	57-681
		941	485	1417-1901
		1417	476	941-1416
		1902	409	2610-3018
		2610	209	682-890
		3019	207	3985-56
		3985	50	891-940
PmeI	2	932	4064	1003-931
GTTT|AAAC		1003	71	932-1002
Ppu10 I	2	3136	3869	3402-3135
A|TGCAT		3402	266	3136-3401
PstI	1	1280	4135	1280-1279
CTGCA|G				
PvuI	1	3254	4135	3254-3253
CGAT|CG				
RsaI	11	72	1366	988-2353
GT|AC		242	1063	2354-3416
		497	790	3417-71
		522	255	242-496
		577	170	818-987
		610	170	72-241
		661	157	661-817
		818	55	522-576
		988	51	610-660
		2354	33	577-609
		3417	25	497-521
SacI	2	846	3997	984-845
GAGCT|C		984	138	846-983
Sal I	1	60	4135	60-59
G|TCGAC				
SapI	1	1407	4135	1407-1406
GCTCTTCN|				
|NNNNGAAGAGC				

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
Sau3AI	24	34	926	48-973
|GATC		40	809	1280-2088
		48	445	3381-3825
		974	338	3831-33
		1011	261	1011-1271
		1272	252	2999-3250
		1280	246	2515-2760
		2089	233	2766-2998
		2164	130	3251-3380
		2175	98	2417-2514
		2183	78	2183-2260
		2261	75	2282-2356
		2273	75	2089-2163
		2282	60	2357-2416
		2357	37	974-1010
		2417	12	2261-2272
		2515	11	2164-2174
		2761	9	2273-2281
		2766	8	1272-1279
		2999	8	2175-2182
		3251	8	40-47
		3381	6	34-39
		3826	5	2761-2765
		3831	5	3826-3830
Sau96 I	8	12	1758	938-2695
G|GNCC		245	1201	2696-3896
		361	383	554-936
		554	250	3897-11
		937	233	12-244
		938	193	361-553
		2696	116	245-360
		3897	1	937-937
ScrFI	13	368	722	1903-2624
CC|NGG		561	592	3378-3969
		1083	533	3970-367
		1551	522	561-1082
		1672	468	1083-1550
		1685	379	2625-3003
		1903	357	3004-3360
		2625	218	1685-1902
		3004	193	368-560
		3361	121	1551-1671
		3377	16	3361-3376
		3378	13	1672-1684
		3970	1	3377-3377
SfaNI	17	75	784	1620-2403
GCATCNNNNN|		635	560	75-634
|NNNNNNNNNGATGC		...1140	505	635-1139
		1220	400	1220-1619

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
		1620	363	3847-74
		2404	311	2895-3205
		2523	215	3632-3846
		2540	164	2581-2744
		2581	150	2745-2894
		2745	135	3413-3547
		2895	120	3206-3325
		3206	119	2404-2522
		3326	87	3326-3412
		3413	84	3548-3631
		3548	80	1140-1219
		3632	41	2540-2580
		3847	17	2523-2539
SfcI	4	903	3059	1979-902
C|TRYAG		1276	512	1276-1787
		1788	373	903-1275
		1979	191	1788-1978
SgfI	1	3254	4135	3254-3253
GCGAT|CGC				
SmaI	1	3378	4135	3378-3377
CCC|GGG				
SnaBI	1	618	4135	618-617
TAC|GTA				
SpeI	1	277	4135	277-276
A|CTAGT				
SphI	1	1224	4135	1224-1223
GCATG|C				
SspI	1	3327	4135	3327-3326
AAT|ATT				
StuI	2	2628	2795	3968-2627
AGG|CCT		3968	1340	2628-3967
StyI	1	638	4135	638-637
C|CWWGG				
TaiI	10	403	1504	725-2228
ACGT|		415	1434	2229-3662
		456	402	4136-402
		539	348	3788-4135
		620	125	3663-3787
		725	105	620-724
		2229	83	456-538
		3663	81	539-619
		3788	41	415-455
		4136	12	403-414

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
TaqI	12	61	826	1623-2448
T|CGA		884	823	61-883
		950	603	1020-1622
		1020	403	2882-3284
		1623	391	3805-60
		2449	340	2449-2788
		2789	274	3285-3558
		2882	154	3651-3804
		3285	93	2789-2881
		3559	92	3559-3650
		3651	70	950-1019
		3805	66	884-949
TfiI	9	201	1157	201-1357
G|AWTC		1358	1134	1498-2631
		1498	623	3338-3960
		2632	387	2632-3018
		3019	375	3961-200
		3110	172	3110-3281
		3282	140	1358-1497
		3338	91	3019-3109
		3961	56	3282-3337
TseI	7	228	2224	2139-227
G|CWGC		1428	1200	228-1427
		1446	419	1446-1864
		1865	206	1933-2138
		1930	65	1865-1929
		1933	18	1428-1445
		2139	3	1930-1932
Tsp45 I	2	2322	3357	3100-2321
|GTSAC		3100	778	2322-3099
Tsp509 I	13	155	1566	1286-2851
|AATT		189	655	3635-154
		296	591	296-886
		887	239	887-1125
		1126	217	3052-3268
		1286	184	3451-3634
		2852	182	3269-3450
		2860	160	1126-1285
		2902	150	2902-3051
		3052	107	189-295
		3269	42	2860-2901
		3451	34	155-188
		3635	8	2852-2859
TspRI	10	873	1615	3393-872
CAGTGNN|		968	631	2215-2845
CACTGNN|		1106	506	1425-1930
		1425	467	2846-3312

	Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends
		1931	319	1106-1424
		1944	271	1944-2214
		2215	138	968-1105
		2846	95	873-967
		3313	80	3313-3392
		3393	13	1931-1943
XbaI T|CTAGA	1	943	4135	943-942
XhoI C|TCGAG	2	949	2701	949-3649
		3650	1434	3650-948
XmaI C|CCGGG	1	3376	4135	3376-3375

The following restriction enzymes do not cut pShuttle:

AgeI, AhdI, AscI, AvrII, BamHI, BbeI, BcgI, BcgI, BlpI, BpmI,

BseRI, BsgI, BsiWI, BspEI, BspMI, BsrGI, BssHII, Bst1107 I, BstBI, EcoRV,

EheI, FseI, FspI, KasI, MscI, NaeI, NarI, NgoMI, PacI, Pml I,

PpuMI, PshAI, Psp1406 I, PvuII, RsrII, SacII, ScaI, SexAI, SfiI, SgrAI,

SrfI, Sse8387 I, SwaI, Tth111 I, XcmI, XmnI.